

A

<i>2LH7</i>	1	GALTESQAALVKSSWEEFNANIPKH	THRFFILVLEIAPAA
<i>1MBD</i>	1	-VLSGEWQLVLHVWAKVEADVAGHGQDIL	IRLFKSHPET
<i>2LH7</i>	41	KDLFSFLKGTSEVPQNNPELQAHAGK	VFKLVYEAAIQLEV
<i>1MBD</i>	40	LEKFDRFKHLKTEAEMKASEDLKKHG	VTVLTALGAILKKK
<i>2LH7</i>	81	TGVVVTDATLKNLGSVHVS	KG-VADAHFPVVK
<i>1MBD</i>	80	G---HHEAELKPLAQSHAT	KHKIPIKYLEFISEAIIHVLH
<i>2LH7</i>	120	EVVGAKWSEELNSAWT	IAYDELAIVIKKEMDDAA---
<i>1MBD</i>	117	SRHPGDFGADAQGAMNKA	LELFRKDIAAKYKELGYQG

B